



УДИРДАГЧ

Ж.Баигалмаа

АУ-ны магистр, ХӨСҮТ-ийн Халдварт
өвчний тандалт эрхэлсэн дэд захирал

СУДАЛГААНЫ БАГИЙН ГИШҮҮД:

П.Нямдаваа, Академич, АШУ-ны доктор,
профессор, ЭМЯ, вирус, нян судлалын
мэргэжлийн салбар зөвлөлийн ерөнхий
мэргэжилтэн, ШУА-ийн гишүүн

Ц.Билэгтсаихан, АУ-ны доктор, ХӨСҮТ-ийн
Ерөнхий захирал

Б.Дармаа, АУ-ны доктор, дэд профессор, ХӨСҮТ-
ийн вирус судлалын лавлагаа лабораторийн
эрхлэгч

Б. Бумдэлгэр, АУ-ны доктор, ХӨСҮТ-ийн Нэгдсэн
лабораторийн албаны дарга

Л.Баттөр, АУ-ны доктор, дэд профессор

Г.Цогзолмаа, АУ-ны доктор, ХӨСҮТ-ийн Вирус

судлалын лавлагаа лабораторийн судлаач

О.Чимэдсүрэн, АУ-ны доктор, профессор

Э.Тэмүүлэн, ХӨСҮТ-ийн Сүрьеэгийн тандалт
судалгааны албаны судлаач

С.Цогтсаихан, АУ-ны доктор, АШУҮИС-ийн
профессор

Н.Ууганцэцэг, ХӨСҮТ-ийн Эрчимт эмчилгээний
тасгийн эрхлэгч

Б.Саруул, ХӨСҮТ-ийн Амбулаторийн тасгийн
эрхлэгч

Ц.Наранзул, АУ-ны доктор, ХӨСҮТ-ийн Вирус
судлалын лабораторийн вирус судлаач

Б.Азжаргал, АУ-ны доктор, ХӨСҮТ-ийн Талбарын
тархвар судлалын албаны дарга

Ж.Нямсүрэн, ХӨСҮТ-ийн тандалт судалгааны
албаны дарга

С.Анхбаяр, ХӨСҮТ-ийн Вирус судлалын лавлагаа
лабораторийн судлаач

Н.Баясгалан, ХӨСҮТ-ийн Вирус судлалын лавлагаа
лабораторийн судлаач

Б.Сарангуа, АУ-ны магистр, ХӨСҮТ-ийн

Иммунологийн лабораторийн эрхлэгч

Б.Ганцоож, ХӨСҮТ-ийн Томуугийн үндэсний
нэгжийн дата менежер

М.Цогт, ХӨСҮТ-ийн Халдварт өвчний тандалт
судалгааны албаны мэргэжилтэн

С.Саруул, ХӨСҮТ-ийн Халдварт өвчний тандалт
судалгааны албаны мэргэжилтэн

Ч.Хишигмөнх, ХӨСҮТ-ийн Вирус судлалын
лавлагаа лабораторийн судлаач

А.Аззаяа, ХӨСҮТ-ийн Вирус судлалын лавлагаа
лабораторийн судлаач

Вирусийн геномын судалгаа

SARS-CoV-2

вирусиин

хувилбарын

тархалтыг

тодорхоилох,

молекул

эпидемиологийн

судалгаа

ХӨСҮТ-ийн захиалгат төсөл 2021 он.

Э.Алтансүх, АУ-ны магистр, ХӨСҮТ-ийн Иммунологийн
лабораторийн эмч

Ш.Нармандах, ХӨСҮТ-ийн Талбарын тархвар судлалын
албаны мэргэжилтэн

А.Зулцэцэг, ХӨСҮТ-ийн Талбарын тархвар судлалын
албаны мэргэжилтэн Э.Цэвэрхорлоо, ХӨСҮТ-ийн
судалгааны гэрээт туслах ажилтан

Б.Пүрэвбат, ХӨСҮТ-ийн судалгааны гэрээт туслах ажилтан

Н.Ундармаа, ХӨСҮТ-ийн судалгааны гэрээт туслах ажилтан

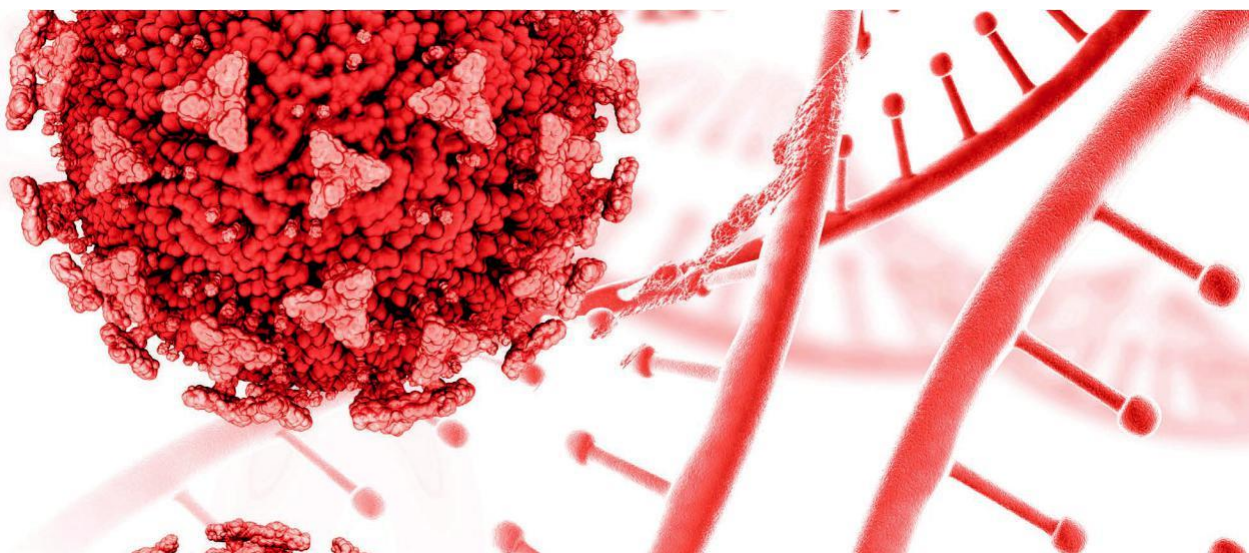
С.Ундарьяа, АШУҮИС-ийн Халдвартын резидент, судалгааны
туслах ажилтан Б.Туул, ХӨСҮТ-ийн судалгааны гэрээт туслах
ажилтан

МОНГОЛ УЛС ДАХЬ SARS-COV-2 ВИРУСИЙН ХУВИЛБАРЫН ТАРХАЛТ

“Вирусийн хувилбаруудаас үүдэлтэй эрсдэлийг тодорхойлох, тандалтын тогтолцоог бий болгох”

хэдий ч уг хувилбаруудаас илүү аюултай хувилбар үүсэн тархаж байх эсвэл шинээр мутацлагдан тархах боломжтой юм. Тухайлбал, SARS-CoV-2 вирусийн лямбда, мю хувилбар вакцинаас зайлсхийх магадлалтай байгаа нь судлаачдын анхаарлын төвд ороод байна.

Вирусийн бүрэн геномын дараалал тогтоох судалгаагаар манай улсад SARS-CoV-2 вирусийн альфа хувилбар 2021 оны 5-8 дугаар сард зонхилон тархсан байна. Дельта хувилбар 2021 оны 9 сараас зонхилон тархаж байна. Манай улсад КОВИД-19 халдварын тархалт үүсгэж буй SARS-CoV-2 вирусийн хувилбарын бүсчлэн тандан судлах нэн чухал шаардлагатай байна.



ҮНДЭСЛЭЛ

КОВИД-19 цар тахал үүсгэгч SARS-CoV-2 вирус нь хувьсан өөрчлөгдөж, БНХАУ-ын Ухань хотод анх халдвар үүсгэж байсан хэлбэрээс илүү хурдан тархалттай, эмгэг төрүүлэгч шинж чанар нь нэмэгдсэн “анхаарал татах” хувилбарыг үүсгэн дэлхий нийтээр тархаж байна. Дэлхийн эрүүл мэндийн байгууллага (ДЭМБ) SARS-CoV-2 вирусийн 4 хувилбарыг “анхаарал татах” хувилбар гэж нэрлэсэн

ЗОРИЛГО

Монгол улсад SARS-CoV-2 вирусийн хувилбарын тархалтыг тодорхойлох тандалт эхлүүлэх, эргэлтэд буй SARS-CoV-2 вирусийн молекул, эпидемиологийн онцлогийг тогтоох

ЗОРИЛТ

1. Монгол улсад КОВИД-19 цар тахлын эргэлтэд буй SARS-CoV-2 вирусийн хувилбарын тархалтын түвшинг тогтмол давтамжтай тодорхойлох
2. Монгол улсад КОВИД-19 цар тахлын дэгдэлтийн үеэр SARS-CoV-2 вирусийн мутацлагдсан хувилбар үүссэн эсэхийг тогтоох
3. Монгол улсад КОВИД-19 зөөвөрлөгдсөн тохиолдол, эмнэлзүйн хүнд хэлбэрээр өвчилсөн, вакцины 2 тун авсны дараа өвчилсөн, вакцины 3 дахь нэмэлт тунгийн дараа өвчилсөн тохиолдлуудад SARS-CoV-2 вирусийн хувилбарыг тодорхойлж, вирусийн бүрэн геномын дарааллыг тогтоох, эдгээр хувилбараар үүсгэгдсэн өвчлөлийн эпидемиологиин шинж төрхийг тодорхойлох

ХҮЛЭЭГДЭЖ БУЙ ҮР ДҮН

1. Монгол Улсад КОВИД-19 халдварын тархалт үүсгэж буй SARS-CoV-2 вирусийн хувилбарыг тодорхойлно.
2. Вирусийн хувилбарын тархалтын цаг хугацааны хөдлөл зүйн зураглал гарна.
3. Зөөвөрлөгдсөн КОВИД-19 тохиолдлуудын SARS-CoV-2 вирусийн хувилбарыг илрүүлсэн үр дүн гарна.
4. КОВИД-19 эмнэлзүйн хүнд хэлбэрээр өвчилсөн болон вакцинжуулалтын дараах халдварын тохиолдлуудад SARS-CoV-2 вирусийн хувилбарыг тодорхойлсон үр дүн гарна.

АРГА ЗҮЙ

Судалгаанд Улаанбаатар хотын 8 дүүрэг болон хөдөө орон нутгийн 21 аймгийг хамруулан SARS-CoV-2 эерэг гарсан тохиолдлын 2.5-5% санамсаргүй байдлаар түүвэрлэн сонгоно. БХ-ПГУ аргаар SARS-CoV-2 вирусийн хувилбарыг тодорхойлох тандалт хийнэ. Вирусийн бүрэн геномын дараалал тогтоох шинжилгээ (NGS)-ээр вирусийн геномын дарааллыг тогтооно.